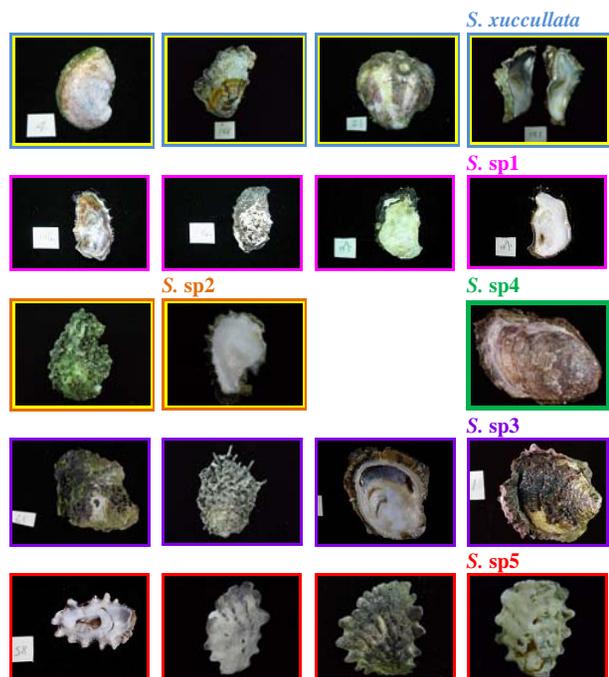
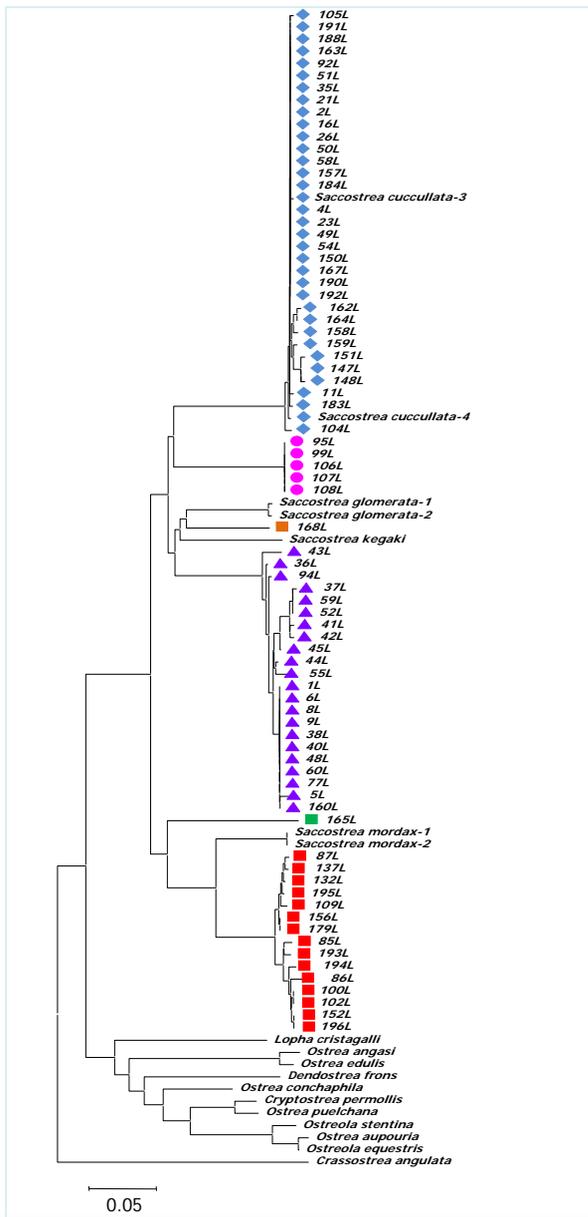


台灣產牡蠣遺傳多樣性研究

蕭聖代、梁宏彥
海洋漁業組

根據記載，台灣產牡蠣共有 6 屬 18 種。由於牡蠣的外殼易因生長環境不同而改變，因此很難由外部的形態來區分種間的差異。本研究採用分子生物的方法，利用粒線體中的 COI 序列建立台灣牡蠣物種之 DNA 資料庫，做為日後物種比對的標準有助於進口牡蠣物種鑑定，並了解牡蠣科內種與種間的類緣關係。

台灣沿岸採集的野生及養殖牡蠣主要分為 2 屬，分別為 *Crassostrea* 及 *Saccostrea*。經過 DNA 序列比對發現，台灣養殖牡蠣均為葡萄牙牡蠣 (*C. angulata*)，而非過去所認知的太平洋牡蠣 (*C. gigas*)。由 Neighbor- Joining 樹狀圖中可發現，*C. angulata* 與 *C. gigas* 的親緣關係非常接近，但在台灣採集的 150 個牡蠣樣本中，*Crassostrea* 屬只有 *C. angulata*，其餘則皆為 *Saccostrea* 屬，即俗稱的岩蚶或石蚶。目前發現台灣至少有 6 種牡蠣是屬於 *Saccostrea*，顯示台灣產牡蠣中，*Saccostrea* 屬的物種多樣性高於 *Crassostrea* 屬。另外，常見於海邊岩石上的黑齒牡蠣 (*S. mordax*)，經由序列比對可獨立成一個種群，但與美國全國生物技術信息中心 (NCBI) 的黑齒牡蠣序列比較，發現該物種之序列與台灣過去認知的黑齒牡蠣序列有明顯差異。目前尚有 6 個種群未能比對，其與過去文獻記載的台灣牡蠣種類亦有差異，未來將結合傳統形態學研究，做進一步的探討。



台灣產岩蚶各種間之親緣關係樹